13\_960

13\_930

13\_930/960-F1:ATTCTCAAGGTGGCTTTCAT

13\_930/960-R1:CCTAACCCACTCAAGAACCTA

13\_930/960-F2:ATGATTGGGGGTTTCTTGGT

13\_930/960-R2:CTTGTGAAGGCTAAATGAGA

13\_930/960-F3:TTTGGTAGTTGGTGTCCACC

13\_930/960-R3:GGCACTGTAAAGGAGGAAGA

>Chr13 Chr13:524241..534190

GCAGATTGTTCATCTCTTATATCCTTTCTCTGTCTGTTTTCAATGTGAAACTACAAAAGTGATCTGTAATTGAATATACATAGTTGGGTTCTGATTGAAGTCTGGAATTGGTTTTACATAATGTAGTGATTTCATTACGATACTTACACTCGTGAACTTCAAGAAAGACCTTGTATGCGATTTTATTGTTGTGGGGTGCTAATAATTGAAGGTTTGGAGATTTCGGAGATAAAAGTAATGTCTGGGAGAGATGAAGGTCATTGTCACGGTTTGAATTCCGGGGGGTCATAGCGAGTAGTTTCTGGTGCGTAAGTTGTTTTAAGAGCCTTCTTATGGCACTTCTCTTTAACTTTCTTCCACACTTGAACAGAGGCTTACACCAGCCGACCTCCTACTTCAGTCAAAGTCTTTTTGGGTATTTAGAAGAATGCTTTGGCTGGCTGAAGATCAGATGGGGGATTGCATAGTATTCGTAGTAGGCTACAAATTGCAATCTGCAGGAAGAATTTTAGTAGAGCTCTAGTTTCTTTCCGATTTCGTTGTGAAGCTAAAGTGTGTTTCTCGTAAGAATATTTTTAGTAACCGCAGTGCACCATATCCTAGGTGTGGTTTCGTGCAACATGTTTAAAAATGGCATTTGAGACCTGTTTCAGTAAGCAGGGGGTGTCGTGGATAGAATTGTATTGGCTGCTGCAGAAATCGAACCTCATTCAGACTGTCCATCCAAACCTGGAATCTCCGAGTTCATCGTACATTTTTGAAGATAAATTCAACCGATAGGCTGCATAAACCAGGCGGTCTTACCCGCAAACGATATGGCTGAGCAACCTCCAGATCATTCCATGTGCGCGAAATGTCGCAAGATAGACTTTCGTAAGGCATTCTTTGTCAAGCGTTCTTCGTGGGAGGACATCTTTTCAGAGATTCAAGTCCACAGCATTCTCTGTAACATTGCTCACATTCTCAACACCCATAATAAATGCCGCTGCTGCTGTTTGATACTCCACGGAACTAGGCGATTCCATCCATCTTTGGAGGCACAGAAAAGTACCAAATTGGCTTGGGACCCCTACTGTAATATGCAGGCGAAGGTTGAAGTTCAGGAAGGTGAGGTGGAGTTTAGAAGTGTAGTGTACATCTATCCAGGATACAACTTCGACAAAGTATTGGCTATCAACTTACTGTCACGACAAGACGAGAATGAAGCCTCAAAGGCGCTGAGAACACGGCGTGTCAAGCAGCATCAGGCTGAGCTAACACATAACAACAACTGGGTCAGTACGTGCAATAGCAGGCACAAAGACTGTCACCATTTATGGCCGCGTTCATCCTTTGAAGAACTTCGGTTCCGAGTTATTGATGTCCAAGACCGCTGCATTGTTCCTGTATCCAAGAATTGCGAGTACGTAGCTCTGAGCTATATGTGGGGCACGACTCCCATGCTGCTGACATTGAAATCTAACATTGAGATGTCCTCACTTCCGCAAGGTCTGGATAAAGGGCCATCACCCTTGCCTCGAACAATCTCAGATGCTATGGAGCTCGTGGGAGACATCGGACAGAGATACCTCTGGGTTGATGCTCTCTGCATCATACAGAATGATAAAAAGGACCAAGAGCATCAGATCCGCAATATGGACCTCGTATATGGTTTCGCATCGTTCACAATCATTGCCGCCGATGGCGATGGCGCAGATGCTGGCCTTGTAGGTGTGAAGGATGTCTCGCGGAACATTGTGCAGGACATAGAGGAAGTGGAACCAGATCTTCATCTCGCGGTCTCATTGAGCGGCTTTGGCACACTCCAACGCGCAAGATCG

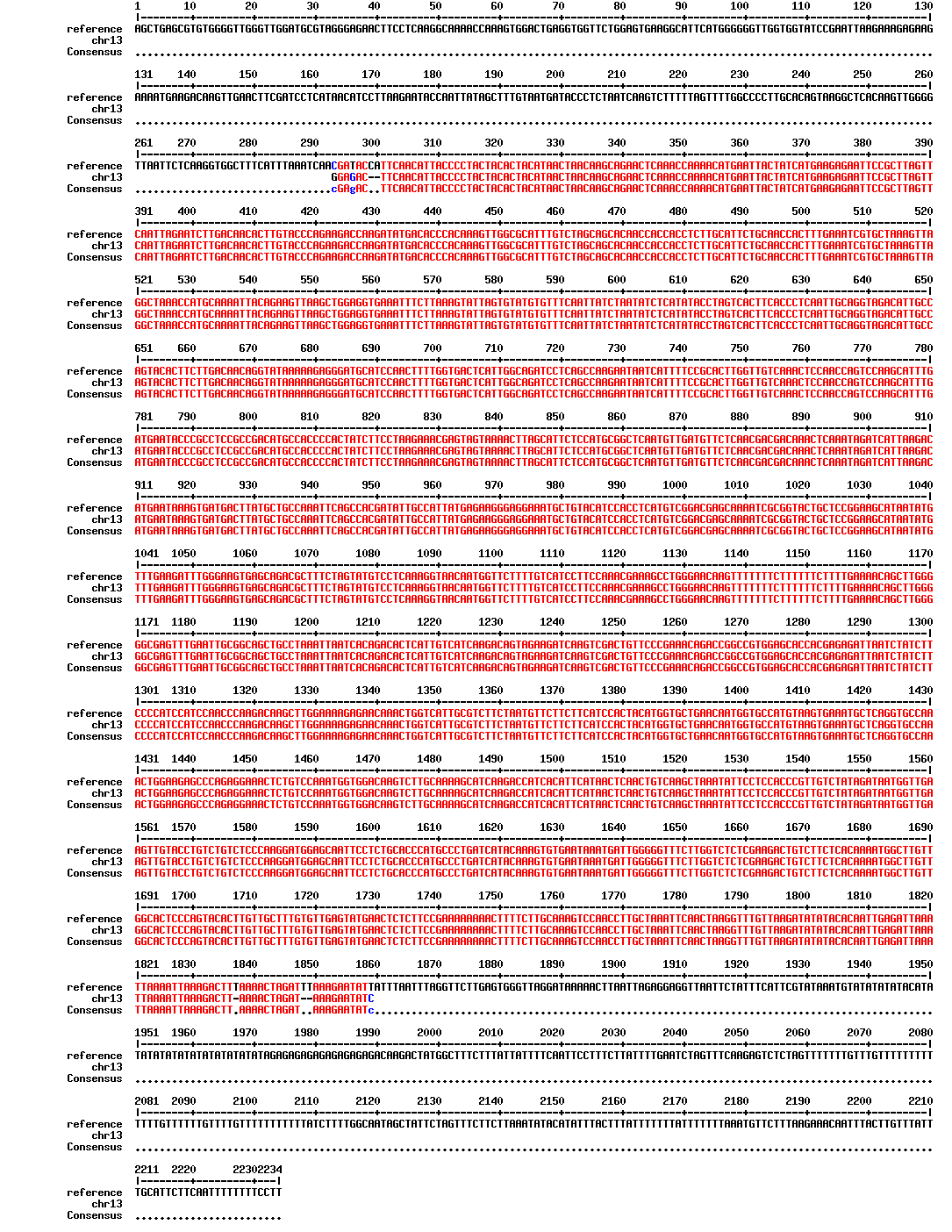
AAGTGGAACACGCGTGCCTGGACCTTTCAAGCAGCGTTACTATCCCGCCGGATGGTCATTTTCTTCGGTGGCGAGATGACATGGGAGTGCCGGGAAGCAGTCTGGACTGAAGATTTACACATCTCTTCCGGAACGATCGGCAGCTTCATTGCACCGCACTACTCCAACCACATGACACCCCTGCTCGAGAGGCGCTTGGCGGCTTCGAAGGCGAATCCTTCTGCATACGCCAGCTCGTTTGCAGCAATGAACCATGACAATCTAACCATGCATGAGAATGCGGTACGTGAATATACGGCTCGTCAGATGACGTACCTGTCGGACATGCTGAACGCATTTGCGGGCCTGGCCAAGATATTCGAGACTCCATTGGCGACCGGTTTTTCGCAGGGCTTACCGAAAAACCGCCTCGATACGGCCTTACTCTGGACGCCTGAGCAGGCACTTACGCGTCGCCCTGGGTTCGCAAGTTGGTCGTGGGCCGGATGGGTTGGAAAATCACGATACTTTAGCATGAACTATAACATCATCAAACCTATGGTCTGCTTTGATAACGAGCCGCAGAATTGGGAAGAACAAAACTATGAGCCCCCAGCTCGACCCTGGAGAGTGGTGAAGCCTCGCTCTCCCACACAGAGACCCATATTACCCCAGCCTACTCCAAACCACCGCCTCTGCTTCTCCGCGTACACCGCGTCCTCCGGCTACTTTCAGTTTGAAAACCTCGAACCGCCGTTGCCCGTTCCCCTCTTCGTGGCGCTCTTAGACCAGGATGTGTTTGAGATCGGACGTATGGGTCTCGATCGCGGAGCCTATCCAGCTAGTGGTGTTTACTCGCTGATAGTGCTGTCGGAGTGCTCCGAGCCCGTGCAGCAAGAAGGGCTGATTGGACGGGATGTTCCCACGTGATTAGTCCCACTTAGTCGGGGCGGGGTAAATGATGAGCTCCAGCTGCCATTCTTCAACGTGATGTTGATTAGGTGGACAGGTGATGTAGCTGAGCGTGTGGGGTTGGGTTGGATGCGTAGGGAGAACTTCCTCAAGGCAAAACCAAAGTGGACTGAGGTGGTTCTGGAGTGAAGGCATTCATGGGGGGTTGGTGGTATCCGAATTAAGAAAGAGAAGAAAATGAAGACAAGTTGAACTTCGATCCTCATAACATCCTTAAGAATACCAATTATAGCTTTGTAATGATACCCTCTAATCAAGTCTTTTTAGTTTTGGCCCCTTGCACAGTAAGGCTCACAAGTTGGGGTTAATTCTCAAGGTGGCTTTCATTTAAATCAACGATACCATTCAACATTACCCCTACTACACTACATAACTAACAAGCAGAACTCAAACCAAAACATGAATTACTATCATGAAGAGAATTCCGCTTAGTTCAATTAGAATCTTGACAACACTTGTACCCAGAAGACCAAGATATGACACCCACAAAGTTGGCGCATTTGTCTAGCAGCACAACCACCACCTCTTGCATTCTGCAACCACTTTGAAATCGTGCTAAAGTTAGGCTAAACCATGCAAAATTACAGAAGTTAAGCTGGAGGTGAAATTTCTTAAAGTATTAGTGTATGTGTTTCAATTATCTAATATCTCATATACCTAGTCACTTCACCCTCAATTGCAGGTAGACATTGCCAGTACACTTCTTGACAACAGGTATAAAAAGAGGGATGCATCCAACTTTTGGTGACTCATTGGCAGATCCTCAGCCAAGAATAATCATTTTCCGCACTTGGTTGTCAAACTCCAACCAGTCCAAGCATTTGATGAATACCCGCCTCCGCCGACATGCCACCCCACTATCTTCCTAAGAAACGAGTAGTAAAACTTAGCATTCTCCATGCGGCTCAATGTTGATGTTCTCAACGACGACAAACTCAAATAGATCATTAAGACATGAATAAAGTGATGACTTATGCTGCCAAATTCAGCCACGATATTGCCATTATGAGAAGGGAGGAAATGCTGTACATCCACCTCATGTCGGACGAGCAAAATCGCGGTACTGCTCCGGAAGCATAATATGTTTGAAGATTTGGGAAGTGAGCAGACGCTTTCTAGTATGTCCTCAAAGGTAACAATGGTTCTTTTGTCATCCTTCCAAACGAAAGCCTGGGAACAAGTTTTTTTCTTTTTTCTTTTGAAAACAGCTTGGGGGCGAGTTTGAATTGCGGCAGCTGCCTAAATTAATCACAGACACTCATTGTCATCAAGACAGTAGAAGATCAAGTCGACTGTTCCCGAAACAGACCGGCCGTGGAGCACCACGAGAGATTAATCTATCTTCCCCATCCATCCAACCCAAGACAAGCTTGGAAAAGAGAACAAACTGGTCATTGCGTCTTCTAATGTTCTTCTTCATCCACTACATGGTGCTGAACAATGGTGCCATGTAAGTGAAATGCTCAGGTGCCAAACTGGAAGAGCCCAGAGGAAACTCTGTCCAAATGGTGGACAAGTCTTGCAAAAGCATCAAGACCATCACATTCATAACTCAACTGTCAAGCTAAATATTCCTCCACCCGTTGTCTATAGATAATGGTTGAAGTTGTACCTGTCTGTCTCCCA

AGGATGGAGCAATTCCTCTGCACCCATGCCCTGATCATACAAAGTGTGAATAAATGATTGGGGGTTTCTTGGTCTCTCGAAGACTGTCTTCTCACAAAATGGCTTGTTGGCACTCCCAGTACACTTGTTGCTTTGTGTTGAGTATGAACTCTCTTCCGAAAAAAAACTTTTCTTGCAAAGTCCAACCTTGCTAAATTCAACTAAGGTTTGTTAAGATATATACACAATTGAGATTAAATTAAAATTAAAGACTTTAAAACTAGATTTAAAGAATATTATTTAATTTAGGTTCTTGAGTGGGTTAGGATAAAAACTTAATTAGAGGAGGTTAattctatttcattcgtataaatgtatatatatacatatatatatatatatatatatataGAGAGAGAGAGAGagagacaagactatggctttctttattattttcaattcctttcttattttgaatctagtttcaagagtctctagtttttttgtttgttTTTTTTTTTTTGTTTTTTGTTTTGTTTTtttttttatcttttggcaatagctattctagtttcttcttaaatatacatatttactttatttttttatttttttaaatgttctttaagaaacaatttacttgtttatttgcattcttcaattttttttccttATCCTACACAACAACATTCCTTGATATATGGAGTCCTTTCAAAGGCCGATTCAATCATCTTTTTTGGTACTTTGGTAGTTGGTGTCCACCTTTGCTAACACTATAAGTGTGAAATTTAATTTTTTTATCTTAAAATAGAAAAATATTATCAATTTCTAATCAATAAGTAATTATTCTTTGGATGGGATCTTTCAAAGCAAACAACATACTGATTTAGTCTCAATTTGAGTAGAATCTTAGCAATCAAAACAAGGATTTTGAAAAAAAAAAAAAATCAACATTACAAAATCACATAGTTCAAACAAAGTTTATAATTGAAATTTTCTTTTGAGAGGAAAGCAAAACCATTGCAAGGGAGAGCTATGCCTCCTTGGCTCCCTTGCAATCATTGCAAATGTCTTGTTTAATACACAATATAGGATCTACAAATAAATTAGGCAACTTATTAGAATTAATCTATTTGTGATATATATATGGCATATTTTACATATTGAGAAGTTAGTTCTTTAAAGACAAAATTATAGATTTATAACTTTTTATTTTAAAAAATTAAAAAAAATATTACAAAAGAGATATTTTTAAATAAAATCAACTAATGTAATTATCGAGTTTTTATAATTTTTTCTCATTTAGCCTTCACAAGTTTTATCAATTCTTATATTATTTATTTAGTAATTCTATTTTATTGGTATTTAATCTAATATTCTTCTTAATATTGGATAGTAATGCTAATATTTAAAATATGAGTACTACAATATTTTGCAAGTGTTTAAAATTTTAGTTCTATAAGTAGAATATTATTTTATTTAATTTTTTTAAAAAACATTTAAGAGTTAAAAATTATACTTTTGTACTTTACTTAAAACAAAATGTTATAAGGTATTTTATTTAAAATTTTAGATTTTGGATAAAATAGATTTCAAAAACAAAAATAAATTGATAATATTACTTCTTAAATATAAAAATTTAAACGTAAATATGATTGCTAATATTGATTTGTAGAAGTATTCTATCTTAATTAGATATTAATACTATATTGTATTTTTTATTGAGCAATAATATTTTTATTATCTTTAATATTATCCAACTAGATTTAATTTTTTAATCTTGTATTCTAAATATTAAGAAAGTAAATCTTGACTCTATCTAAATGCACCAATTTTTTTTAATTATTGGTATAAAAGACATTACTTTATTTTTTTAGTACCATTAAATTTTATTTTTTTATTAGATGTAATATCTTTGAAAATAAATTAGTTTTTAATCTTCTTTGATTGTTAATTTTTTGTAGTCTATTTTTCTAGTTTATTTTTATTTTTTAAAAATATATATATATATACATATATATATATATAAATACTTCTAAACAAGGCCATTTGTAACCATATTCAAAATTATGCTTATTCTAATAATTTATTCTTATTTGGTTAAAGTAAAAAAATTTCAAGAAAATCTTTTATAGTGTCAAATTTCTCTTTTTATAAATATTATATTTTTTACATTAAAAATACTCATTTAGTTTATTTTATATTTTTATATTTTATATTTTAAAAATTTAAGAAGTTATATTCTACTCATAAAACATTACTAAAATAGATGAATCATCTAAGTCTTATTTCACTAAGCTGAAGCACAACATCACTAGAATAATCATCTCTTAAATATTATCTACTTTGACTTGAAGAACTTAAAAATGGCAATTCATCTTCCTCCTTTACAGTGCCAAGGCTACTTTTGCCATTAGCAAACAACTTGATATTCTCTATGAATTCTCTTCACTTCTTGGTTTTAGAACCGCATCCTTTGATTCACTTTGTCCTTGCAACATTGCCACCACTCGCTCCATGCTTGATCATTGCTCTGCTTCGTTTTTGATACAAAGCAAAGCAATATTGATTGCACAATCtcaaagtagaaagaatttgcttcaaaaaagtgttggacttttggctgctattaaattctcaattaagtctaagatattaaattttatatataattgttttccttttagggcaattacatcaatatataagtctaaatacaaaaaaacacccaaatatatgataaaataactttaaaatcttatttattcttatgaaatttttttcccaaacttcaataattcatatctcatgatcggacatccaaaaaaactaaatttttatatgaagcactattatattttcaaaaagtaccaaaatagattttaactacaaattcattacggatcttgagatattgccaaaatcctagcagtagctttaaaccattgcttacatacacttgcatgaaattttcttcat

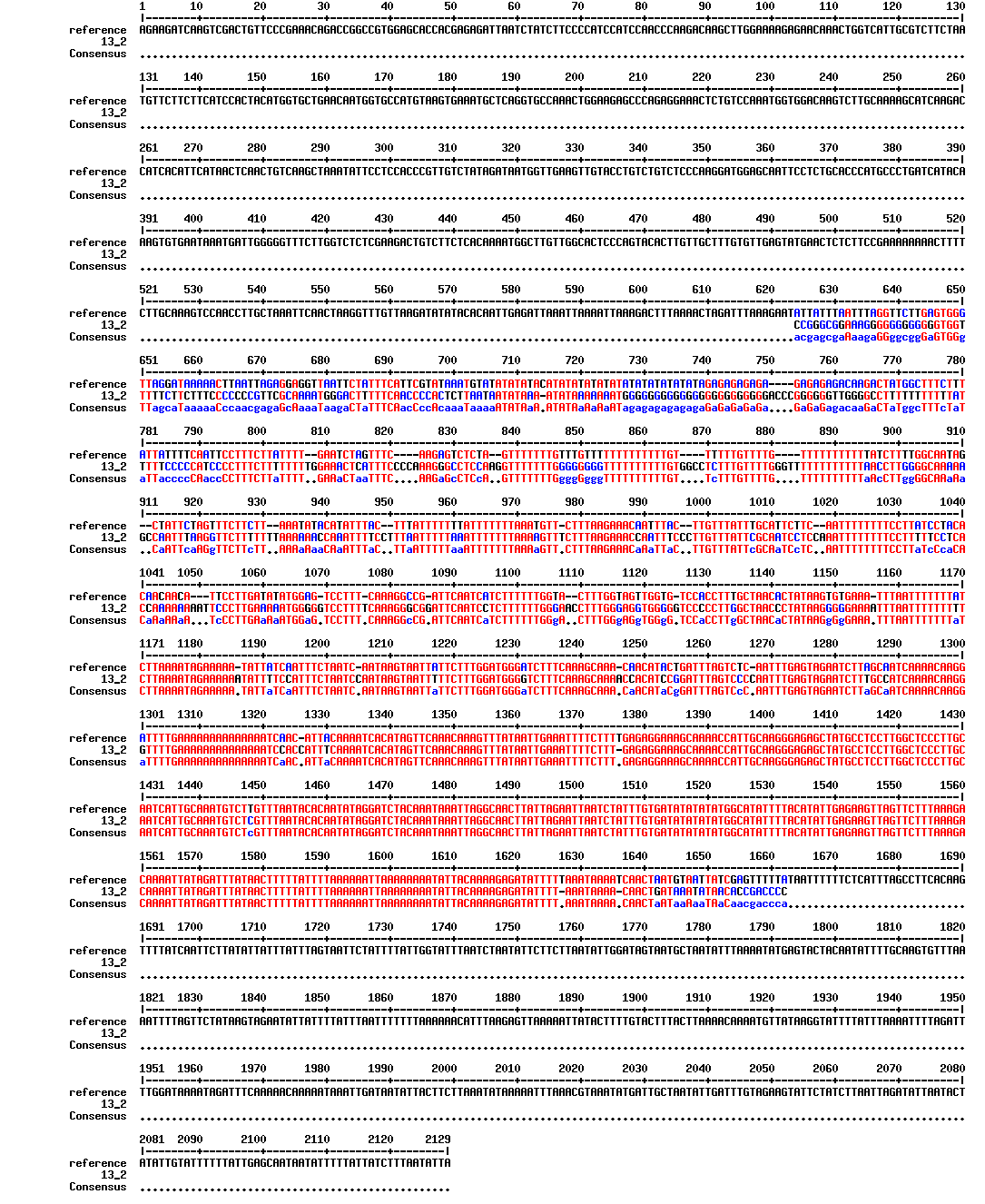
atctcacaaactaagtactcaaataccaaaaaaaattaatttatagctttttaacctaataacacacatttgtagaaattttgagctaaaatttcgtccagaaactcaagatatggctccaaccattactatcaataaaacgactcacttactatctttgaattacatgtgctactttcaacgccctataactccttcattcaaacttagaattcattaaacaatatatgaaacatgtagccaaaaaaatgctctctccaatcataattgccaatcctttgttgctctccataagcatatgttatgccccaaagagagatagaaggtataaaattgacaccttaactttgagcaccaataactcctttataaaaactccaaattatgcaaaatttgcacccaaactatattcaaaaatctaaacatgctgatccttgcttctaaagctaaaatgacctcaaaagaaaaaccctaattcctagtaaggcctcaggcagccttctaatagtttagactttcaacttaagactccaaccttctcttaagctttatactaaatatctaaatcttacataatacaatcaccataatcaaaacagataaacctttaaataaattttcttatatcaactctctttaaatttaattacaaaccattctaatccacatcgagacttacaaaaataatatatgctttaattaatttttacatactataagcaactattgtacaataACGATGAACCTCCATTTTTTCTTCATCATTCAAAGTCATTGTTTTGTCTATTAAGTCTATTAATTTATCTTCCCGATATAAATTCCATGTCTGTATAATCACCAAAACAATAAGCTATATATAAATTTCTAAATAAATATTTTATATTTTACAAATATTTAATTTTATTTCTAGTAATTTTGATTATAAAAAAATAAAATTATCATTAACTAAAACTATCATTTAAAATAAAATAGAGATGCCAAACAAATACATATTAAAAAGAAATTCCTTATCCATTTAGTTAAGTAAACTTTGTCAAGAGCATATTTTTCATCAATATTTATTTTTCTACTTATATTTTCCAAATATAAGACTTTAAAGCTAAACACATCCACATTATCACTTATTTGACCAAGTGATGTATGTTTTGGTGCTAAGTATCTTCTATGCACATATAAAATCCAATTGTACTTAAGAAATTGAACATAAATAAATCAAAATATTTTATCTTATAACTTATACCATAGTTACCTTATAAATTTAAATTAAAAAATTTATATAAAATAAACTATAATATATATATATATATATATGTATTATAATAAATACTTTTTTAACAACAAAAAAAAATGGCAAATGCAAGTGAAAAGCTTTGAGCCAAAATTTTACAACTTGAAATAACTACTAAACTTACTTGGTACCAGCAACATGTTTAGTCAATATGTAACTTTGTTCATCAGGAAAAAACAATGCCAAGCCAAAGTCTGCTATCTTGGCTTCATAATACTTGGTTATTAAAATGTTGCTAGCTTTAATATCACGATGAATGATCTTTGGATGTGCAAGTGCATGGAGGTAATGTAAACCACGAGCCACTCCTAAACAAATCTTTAACCATACATGCCAATTTAAGAGATTCTTATTTGAACTTGTTGTAGCATCACAACAATAATATTATTAGATAAAAAAAAAATTATGAATTTTTAAAAAATTAAATTGTGTTATAAGAAGTTCTAGATTAATTCTAGCAAAGAATACATTTTAAGTAATTGAAAAAGAATCAAGGCTACATAATTCAATGTTCCAAAAATATTATTTGTAAAAATTCAAAAAAAAAAATAGAAGAATAGAATACAAAGTTGAGAAATTAACTTACTTAGAAGAACTTGATCAACTTCACTATTATCCACATACTCATACACCAACAATTGTTGTTGCTCACAAATACAACAACCTTTTAAGTTCACAAGGTTCCTATGCTTCATTCCAGTTAGCAAAATAACTTCATTTAAGAATTCATCTACACCTTTAGAAGTCTTGGCAAATAGTTGTTTTATAGCCATTGTATTTCCATTTGGCAATGTACCCTACAAATAATAAAAAACATGGGTCATTTCTTTAGAAACAATCTATATTATAATTAAAATCAATTGTCTACTACTTGACACTTGACACCATGGGATGCACATACACATGGCAAATCTATTGACATAGAGATTAACATTTAGATCTCCAAAGTCTACTCAATGTTGTTGAAATTGTACCTTGTACACTGCCCCGAAGGCTCCCTCGCCCAACTTCAAATCAGCATTGAAGTCTCGTGTGGCAGTTCGAAGCTCGCTGTAGTGGAATATAGTTGGTTTAACCTCAAGCTCCTCAAACCCTAAGGTGATTACA

AACGTAAGTGCTTCTCTACATAATCCAGTTTCTATAAGCCCATGCTCAAACTAGAAAAGAAATTATTCAGCTGTTACATTTGCTCTTGTAAATTTTTAAATTGAATAAGTTGTGAGCCACAGTCAGCATGCCAAGTTCAATACTTCGAACTACCCGAGGTGCAGATAAATTCGTACTTTGTTGGACCTGAAGCTGGAGAT

Alignment of Pp3c13\_930/960-1 PCR product with reference



Alignment of Pp3c13\_930/960-2 PCR product with reference



Alignment of Pp3c13\_930/960-3 PCR product with reference

